

## La Commission Consultative de l'Université Paris Saclay des sections CNU 64 à 69

Présentation...

---



**Martin Dutertre** a été recruté Chargé de Recherche (CR1) INSERM en 2010 puis Directeur de Recherche (DR2) INSERM en novembre 2023. Depuis 2013, il effectue sa recherche au sein de l'équipe « Biologie de l'ARN, Signalisation et Cancer » (INSERM U1278 ; <https://institut-curie.org/team/vagner>) dans l'Unité « Intégrité du Génome, ARN et Cancer » (UMR-3348 CNRS) au sein de l'Institut Curie.

Mes projets de recherche sont axés sur la régulation et les fonctions des transcrits alternatifs des gènes, dans le contexte du cancer et de la réponse aux agents génotoxiques. Chez l'Homme, les gènes codant des protéines ont en moyenne 10 exons séparés par des introns, et plus de 95% de ces gènes génèrent des transcrits isoformes par utilisation de sites alternatifs d'initiation transcriptionnelle, d'épissage des introns, et de clivage/polyadénylation des transcrits. En général, la maturation des transcrits est co-transcriptionnelle et leur clivage/polyadénylation est couplée à la terminaison transcriptionnelle.

Ces dernières années, je me suis intéressé en particulier aux isoformes de « polyadénylation intronique » (IPA), qui sont générées par utilisation d'un site de polyadénylation alternatif (et terminaison précoce de la transcription) en amont du dernier exon des gènes. De nombreux transcrits IPA codent des isoformes protéiques fonctionnelles. Mes projets de recherche actuels concernent le rôle d'une classe émergente de transcrits IPA, qui sont générés dans les premiers introns annotés des gènes (<https://institut-curie.org/popin/axis-11-role-intronic-polyadenylation-response-dna-damage-and-anticancer-drugs-axis-led-m>).

---

Martin Dutertre était membre externe rang B de la CCUPS 64-69 jusqu'à sa promotion DR en novembre 2023. Il a intégré la CCUPS en tant que membre A le 20/2/2024.